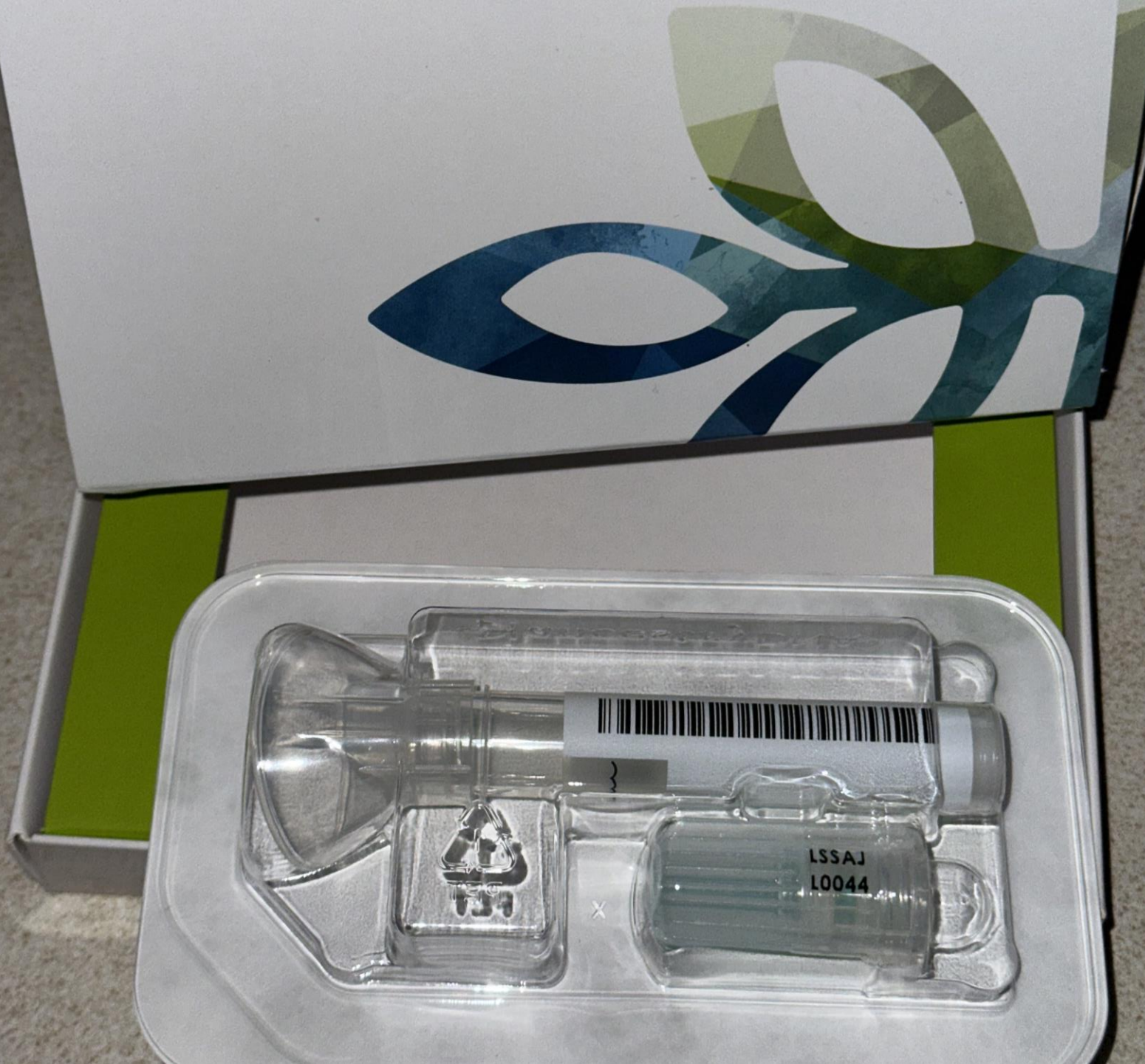




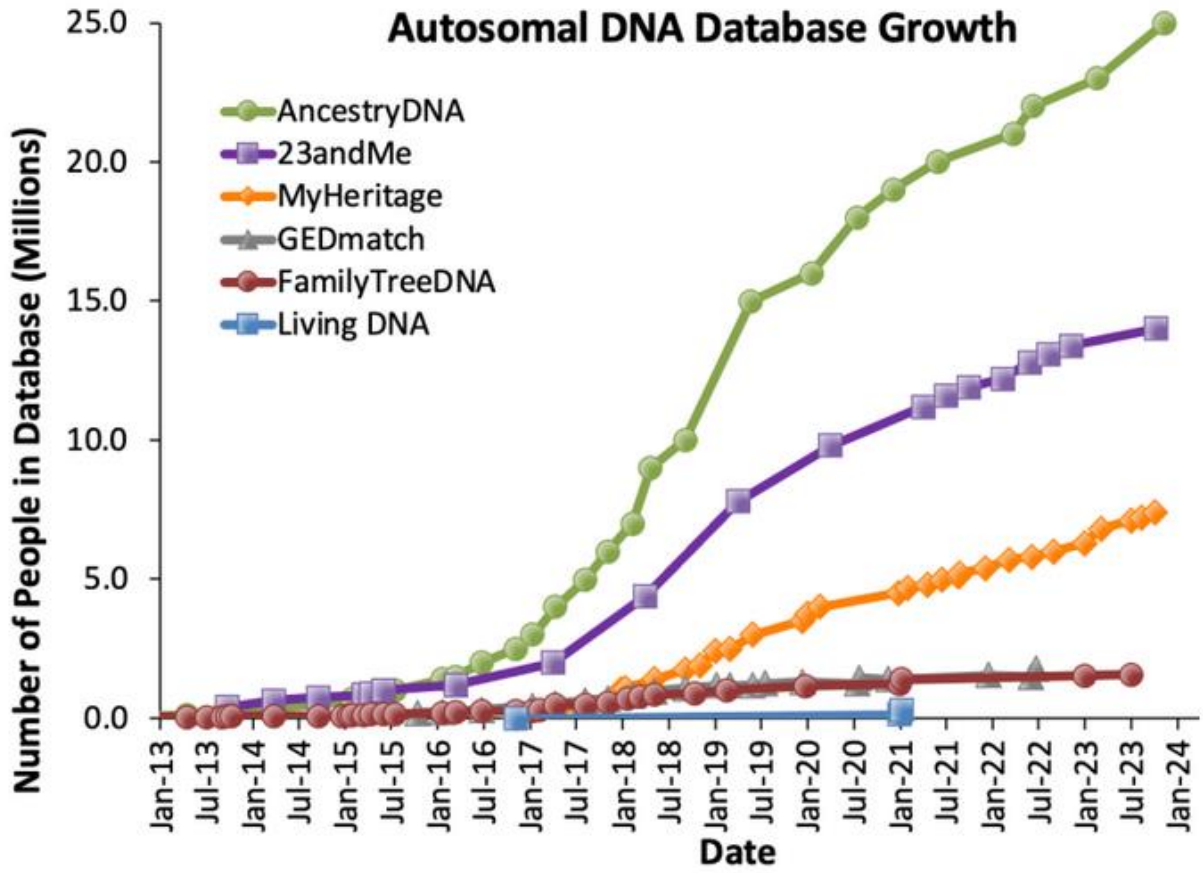
DNA-Tests in der Ahnenforschung

DNA-Test von MyHeritage





DNA-Test von ancestry



Daten,
Zahlen,
Fakten:

© 2023 by Leah Larkin, www.theDNAgeek.com/dna-tests

Testablauf und Einsendung

- Kauf bei amazon oder direkt beim Anbieter (z. B. ancestry, MyHeritage, FTDNA u. A.)

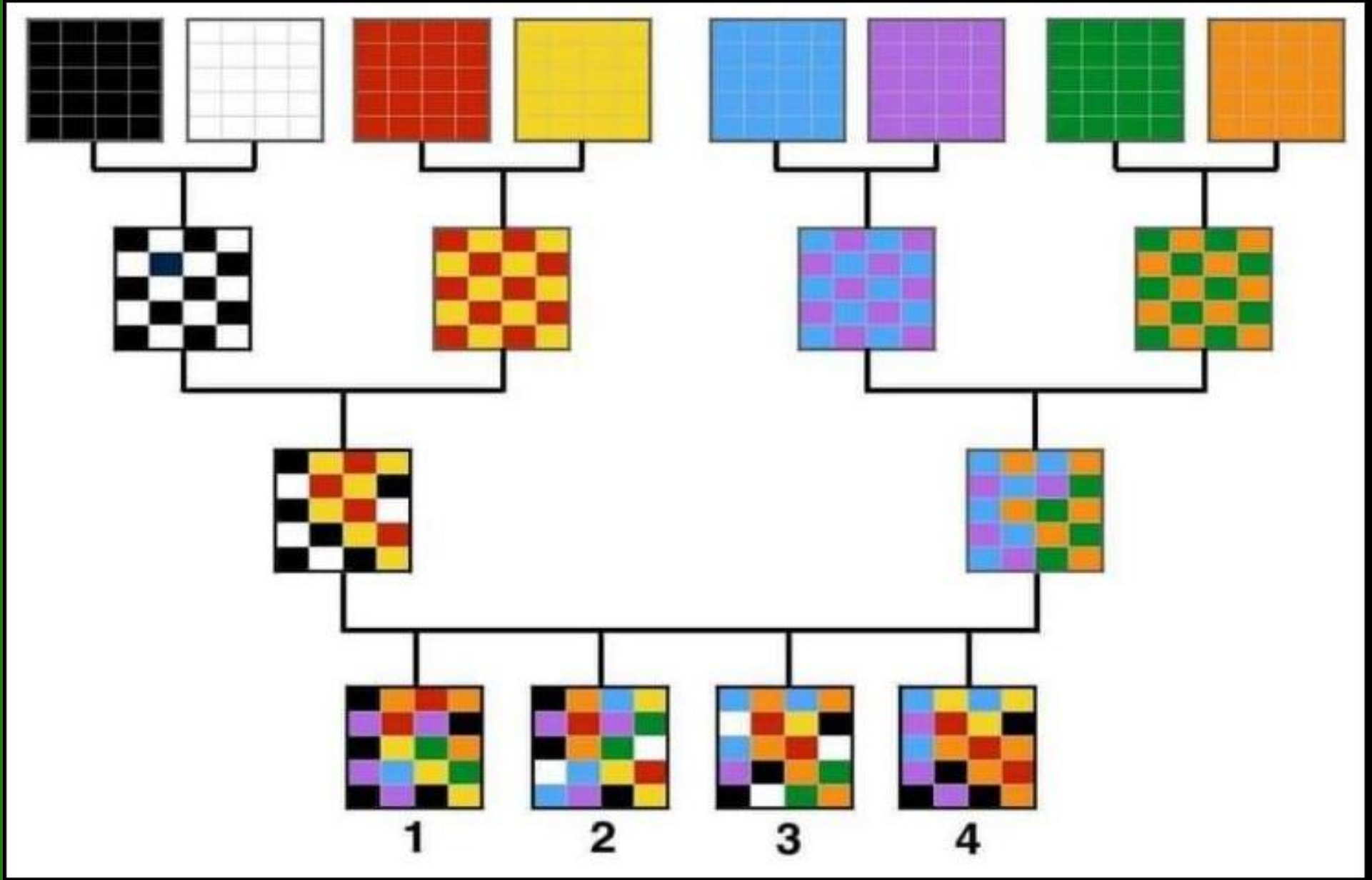
- Preise liegen zwischen € 40,00 und € 70,00

- DNA wird aus Speichelprobe extrahiert (Wangenabstrich oder Spucke)

- Von Einsendung bis Ergebnis dauert es ca. 4 Wochen

- **WICHTIG:** Vor Einsendung das Test-Kit aktivieren!













- unabhängig von einem Stammbaum !



V. S.

Gemeinsame DNA-Matches, wahrscheinliche Beziehung zu V. S.

Wahrscheinliche Beziehung zu V. S. Gemeinsames Ma

Cousin 1. Grades	18,3% (1.298,6 cM)		
	<input type="checkbox"/>	H.J.A. S.	
			
Cousine 1. Grades	14,9% (1.057,6 cM)		
	<input type="checkbox"/>	L. G.	
			
Cousine 1. Grades	13,3% (940,0 cM)		
	<input type="checkbox"/>	Ma. S.	
			

Geschwister
erben
unterschiedliche
Anteile

Risiken und Nebenwirkungen

DNA lügt nicht!

Wichtige Begriffe

- ▶ Matches = Übereinstimmungen mit einem anderen Test (egal wie hoch)
- ▶ cM = Centimorgan (Anteil der gemeinsamen DNA mit DNA-matches)
- ▶ MRCA = most recent common ancestor (der jüngste gemeinsame Vorfahre)
- ▶ NPE = non-paternity event (offizieller Vater ist nicht der biologische Vater)
- ▶ Autosomaler Test/Y-Test

Warum werden Tests gemacht ?

Welche Erwartungen habe ich?

- ▶ - einen bestehenden Stammbaum erweitern/ergänzen und/oder bestätigen
- ▶ - durch den Test einen Stammbaum erstellen (Adoptionen/Findelkinder/Samenspende)
- ▶ - unbekannte Personen finden/"tote Punkte" überwinden
- ▶ - lebende Verwandte finden (Auswanderer?)
- ▶ - aus welchen Regionen stammen meine Vorfahren (Herkunftsanalysen/Ethnizitätenschätzungen)
- ▶ - welcher Haplogruppe habe ich (Y-DNA)
- ▶ - Gesundheit, Ernährung, Veranlagung, Diagnostik (medizinische Zwecke)
- ▶ - Vergleiche mit "alter DNA" (Skelettfunde/Neandertaler)

Warum möchte ich keinen Test machen? Welche Bedenken habe ich ?

- ▶ - **Datenschutz gewährleistet ?**
- ▶ - **stimmen die Ergebnisse überhaupt ?**
- ▶ - **ist mein DNA-Ergebnis für Andere sichtbar ?**
- ▶ - **wer kann mich kontaktieren ?**
- ▶ - **werden auch gesundheitliche Daten ausgewertet (Folgen ?)**

Filtern nach: Nicht angesehen Gemeinsame Vorfahren Notizen Stammbäume Gemeinsame DNA Suchen | Sortieren

Gruppen

Erweiterte Verwandtschaft

	Robert Bruce Kessler Verwandte 2.-4. Grades 281 cM 4% gemeinsame DNA Ohne Zuordnung	Öffentlicher Stammbaum 143 Personen	Zeigen
	doc8416 Verwandte 2.-4. Grades 149 cM 2% gemeinsame DNA Ohne Zuordnung	Keine Verknüpfung zum Stammbaum	Zeigen
	Vickie Brown Verwandte 2.-4. Grades 136 cM 2% gemeinsame DNA Beide Seiten	Keine Verknüpfung zum Stammbaum	Kennen Sie diese Person? Ja Mehr erfahren
	timothy p hunter jr Verwandte 2.-4. Grades 123 cM 2% gemeinsame DNA Ohne Zuordnung	Öffentlicher verknüpfter Stammbaum 3 Personen	Kennen Sie diese Person? Ja Mehr erfahren
	Jamie Turay Verwandte 2.-4. Grades 120 cM 2% gemeinsame DNA Ohne Zuordnung	Öffentlicher verknüpfter Stammbaum 16 Personen	Kennen Sie diese Person? Ja Mehr erfahren

Alle DNA-Matches (6.680)

- Nahe Verwandte - Verwandte 4. und 5. Grades oder enger (194)
20-3.490 Centimorgans gemeinsam
- Entfernt verwandte Matches (6.486)
6-20 Centimorgans gemeinsam
- Selbst definierter Centimorgan-Bereich

cM-Wert eingeben - cM-Wert eingeben

Niedrigster Wert: 6 cM Höchster Wert: 3.490 cM

Zurücksetzen Anwenden

Das Ergebnis ist da. Was nun?

☰ Liste 📍 Karte

Filtern nach: Nicht angesehen Gemeinsame Vorfahren Nachricht geschickt Notizen Stammbäume ▾ **Suchen** Sortieren ▾

Gemeinsame DNA ▾ Gruppen ▾

Name des Matches

Nachname in den Stammbäumen von Matches

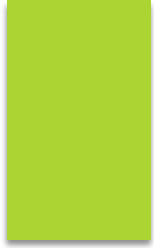
 Auch ähnliche Nachnamen


Geburtsort in den Stammbäumen von Matches

Verwandtschaftsverhältnis ✓
von nah bis entfernt

Datum
von neu bis alt


Suchfunktionen




Sie und 

Erwartete Verwandtschaftsbeziehung: Verwandte 4.-7. Grades

Gemeinsame DNA: 38 cM in 2 Segmenten

 Gruppen hinzufügen/bearbeiten

 Notiz hinzufügen

Stammbäume

Abstammung

Gemeinsame Matches

Geschätzte Verwandtschaft

DNA Detectives Autosomal Statistics Chart

Created by Christa Stacup

©THEDNADETECTIVES, 2016

cM (centiMorgans)^		Percentage (%) of Shared DNA^^		Group	Relationship	Notes
Average	Range	Average	Range			
3,600		50%			Parent - Child	
2650	2300 - 3900	37%	32% -54%	Group A	Full Sibling	Ancestry, FTDNA and GEDmatch (HIR only)
3600		50%				23andMe (FIR included)
1800	1300 - 2300	25%	18% -32%	Group B	Half Sibling Aunt/Uncle/Niece/Nephew Double First Cousin Grandparent/Grandchild	3/4 Siblings ^{***}
900	575 - 1330	12.5%	8% -18.5%	Group C	First Cousin (1C) Half Aunt/Uncle/Niece/Nephew Great-Grandparent/Great-Grandchild Great-Aunt/Uncle/Niece/Nephew	
450	215 - 650	6.25%	3% -9%	Group D	First Cousin Once Removed (1C1R) Half First Cousin (½ 1C) Half Great-Aunt/Uncle/Niece/Nephew	
224	75 - 360	3.125%	1% -5%	Group E	Second Cousin (2C) First Cousin Twice Removed (1C2R) Half First Cousin Once Removed (½1C1R)	
112	30 - 215	1.56%	0.42% - 3%	Group F	Second Cousin Once Removed (2C1R) Half Second Cousin (½ 2C) First Cousin Three Times Removed (1C3R) Half First Cousin Twice Removed (½ 1C2R)	
56	0 - 109 [†]	0.78%	0% - 1.52%	Group G	Third Cousin (3C) Second Cousin Twice Removed (2C2R)	~10% of 3Cs will not share DNA [†]
30	0 - 75 ^{**}	0.4%	0% -1%	Group H	Third Cousin Once Removed (3C1R) Other Distant Cousins	~50% of 4Cs will not share DNA ^{**}

[†]cM =Ancestry.com & FTDNA

^{**}Percentage of DNA = 23andMe

^{***} 3/4 Siblings are a combination of half siblings and 1st cousins, FIRs are included.

Groups A & B: 99% within the ranges given

Groups C - I: 95% within the ranges given

Verwandtschaftsbeziehungen

Herkunftsschätzung ancestry



Ihre DNA stimmt am meisten mit DNA aus diesen 3 Weltregionen überein

Wir vergleichen Ihre DNA mit unserer Referenzgruppe, die DNA-Analysen aus aller Welt enthält. So stellen wir fest, mit welchen Gruppen Ihre DNA am meisten übereinstimmt.

[Wie berechnen wir das?](#)

● Schweden und Dänemark 65% >

Ihre Bevölkerungsgruppe mit einer Verbindung zu dieser Herkunftsregion ⓘ

● Dänemark >

● West- und Südjütland

● Jütland, Seeland, Fünen, Lolland und Falster

● Deutschsprachige Regionen Europas 34% >

Ihre Bevölkerungsgruppe mit einer Verbindung zu dieser Herkunftsregion ⓘ

● Die nordwestdeutsche Küste >

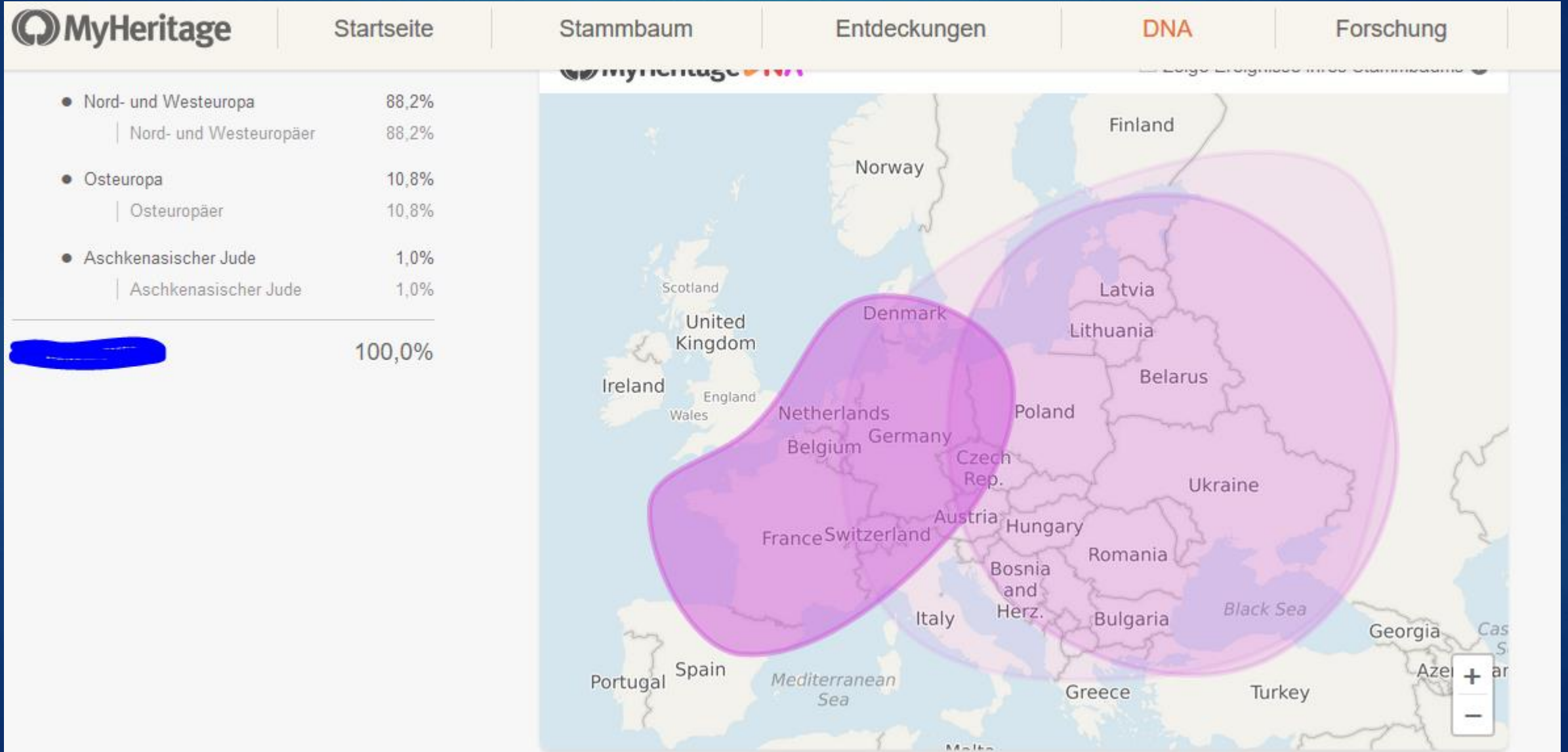
● Schleswig-Holstein

● Baltische Staaten 1% >

Herkunftsschätzung FTDNA (2021)



Herkunftsschätzung MyHeritage (2018)



5 Merkmale

Alle Merkmale

Auswertung aller >40 Merkmale

Sichere dir den dauerhaften Zugriff auf deine vollständige Merkmalsauswertung.

Zugriff erhalten

Kostenlos

...



Entschlossenheit



Weniger wahrscheinlich

Wahrscheinlicher

Mehr Entschlossenheit

Kostenlos

...



Körperkraft



Weniger wahrscheinlich

Wahrscheinlicher

Von Natur aus nicht besonders kräftig

Kostenlos

...



Erholung der Herzfrequenz



Durchschnittlich

Schnell

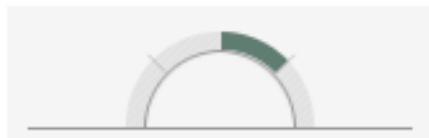
Schnellere Erholung

Kostenlos

...



Morgenmensch oder Nachtmensch



Morgenmensch

Nachtmensch

Nachtmensch

Kostenlos

...



Mittagsschlaf



Weniger wahrscheinlich

Wahrscheinlicher

Hält Mittagesschlaf



Ruud [redacted]

Alter: 70-79 Jahre

von: Niederlande

Erscheint in einem Stammbaum mit 1.704 Personen,
von ihm verwaltet [stammbaum ansehen](#)

Kontaktieren



DNA kit

DNA verwaltet von [Jennifer \[redacted\]](#)

Kontaktieren

Gut oder
schlecht
?

DNA-Painter (Bettinger-Tabelle)

The Shared cM Project – Version 3.0
August 2017

For MUCH more information (including histograms and company breakdowns) see: goo.gl/Z1EcJQ

Blaine T. Bettinger
www.TheGeneticGenealogist.com
CC 4.0 Attribution License

How to read this chart:

Aunt/Uncle	Relationship
1750	Average
1349 - 2175	Range (low-high) (99% Percentile)

								Great-Great-Grandparent	GGGG-Aunt/Uncle		
								Great-Great-Grandparent	GGG-Aunt/Uncle		
Half GG-Aunt/Uncle 187 12 - 383	Great-Grandparent 881 464 - 1486						Great-Great Aunt/Uncle 427 191 - 885				Other Relationships
	Half Great-Aunt/Uncle 432 125 - 765	Grandparent 1766 1156 - 2311					Great Aunt/Uncle 914 251 - 2108				6C 21 0 - 86
		Half Aunt/Uncle 891 500 - 1446	Parent 3487 3330 - 3720			Aunt/Uncle 1750 1349 - 2175					6C1R 16 0 - 72
Half 3c 61 0 - 178	Half 2c 117 9 - 397	Half 1c 457 137 - 856	Half-Sibling 1783 1317 - 2312	Sibling 2629 2209 - 3384	SELF	1c 874 553 - 1225	2c 233 46 - 515	3c 74 0 - 217	4c 35 0 - 127	5c 25 0 - 94	6C2R 17 0 - 75
Half 3c1R 42 0 - 165	Half 2c1R 73 0 - 341	Half 1c1R 226 57 - 530	Half Niece/Nephew 891 500 - 1446	Niece/Nephew 1750 1349 - 2175	Child 3487 3330 - 3720	1c1R 439 141 - 851	2c1R 123 0 - 316	3c1R 48 0 - 173	4c1R 28 0 - 117	5c1R 21 0 - 79	7C 13 0 - 57
Half 3c2R 34 0 - 96	Half 2c2R 61 0 - 353	Half 1c2R 145 37 - 360	Half Great Niece/Nephew 432 125 - 765	Great-Niece/Nephew 910 251 - 2108	Grandchild 1766 1156 - 2311	1c2R 229 43 - 531	2c2R 74 0 - 261	3c2R 35 0 - 116	4c2R 22 0 - 109	5c2R 17 0 - 43	7C1R 13 0 - 53
Half 3c3R	Half 2c3R	Half 1c3R 87 0 - 191	Half GG Niece/Nephew 187 12 - 383	Great-Great-Niece/Nephew 427 191 - 885	Great-Grandchild 881 464 - 1486	1c3R 123 0 - 283	2c3R 57 0 - 139	3c3R 22 0 - 69	4c3R 29 0 - 82	5c3R 11 0 - 44	8C 12 0 - 50

Minimum was automatically set to 0 cM for relationships more distant than Half 2C, and averages were determined only for submissions in which DNA was shared

„So sieht DNA aus ?“

575551	rs2009365,"15","72610849","TT"								
575552	rs11072355,"15","72613485","--"								
575553	rs2912226,"15","72616842","CC"								
575554	rs4776593,"15","72628804","CC"								
575555	rs12441854,"15","72633931","GG"								
575556	rs11629508,"15","72635829","CC"								
575557	rs2288259,"15","72637960","CC"								
575558	rs1800430,"15","72639003","TT"								
575559	rs12915032,"15","72644661","AA"								
575560	VG15S12025,"15","72645445","GG"								
575561	rs4777505,"15","72668539","CC"								
575562	rs3743230,"15","72669077","TT"								
575563	rs10152810,"15","72695240","AA"								
575564	rs12916185,"15","72701025","AA"								
575565	rs16956917,"15","72701777","CC"								
575566	rs4776596,"15","72713958","GG"								
575567	rs2706460,"15","72748728","--"								
575568	rs2592051,"15","72757393","TT"								
575569	rs10468053,"15","72769627","TT"								
575570	rs35150214,"15","72771648","GG"								
575571	rs11632652,"15","72777217","TT"								
575572	rs12595243,"15","72783167","AA"								
575573	rs4777513,"15","72800853","AA"								
575574	rs1374092,"15","72808428","TT"								
575575	rs8038734,"15","72811402","AA"								
575576	rs1562250,"15","72818047","GG"								

Zusammenarbeit ist möglich

E-Mail-Adresse oder Benutzername

E-Mail-Adresse oder Benutzername

- Ansicht:** Testergebnisse anzeigen
- Mitarbeit** – Testergebnisse ansehen, Notizen hinzufügen, Matches markieren.
- Betreuung** – Testdetails ansehen und ändern, Nachrichten mit anderen Benutzern austauschen.

 **Einladung verschicken**

Abbrechen


So kann es auch aussehen...

The screenshot shows a web interface for DNA matching. At the top, there are filter buttons: "Filtern nach:", "Nicht angesehen", "Gemeinsame Vorfahren", "Notizen", "Stammbäume", and "Gemeinsame DNA". A dropdown menu is open under "Gemeinsame DNA", showing options: "Alle DNA-Matches (12.259)", "Nahe Verwandte - Verwandte 4. und 5. Grades oder enger (136)", "Entfernt verwandte Matches (12.123)", and "Selbst definierter Centimorgan-Bereich". Below the menu are input fields for "cM-Wert eingeben" with "Niedrigster Wert: 6 cM" and "Höchster Wert: 3.490 cM", and buttons for "Zurücksetzen" and "Anwenden". The main content area shows two profiles: Sharon Sophie Dorra (43 cM, < 1% gemeinsame DNA) and Roger Youngblood (38 cM, < 1% gemeinsame DNA).


Filtern nach: Nicht angesehen Gemeinsame Vorfahren Notizen Stammbäume Gemeinsame DNA Suchen | Sortieren

Gruppen

Entfernte Familie

 **Sharon Sophie Dorra** Verwandte 4.-7. Grades
43 cM | < 1% gemeinsame DNA
Seite von Elternteil 1 Privater 5 Personen

keine gemeinsamen matches, SB privat

 **Roger Youngblood** Verwandte 4.-7. Grades
38 cM | < 1% gemeinsame DNA
Ohne Zuordnung Öffentlicher 2 Personen

Alle DNA-Matches (12.259)

Nahe Verwandte - Verwandte 4. und 5. Grades oder enger (136)
20-3.490 Centimorgans gemeinsam

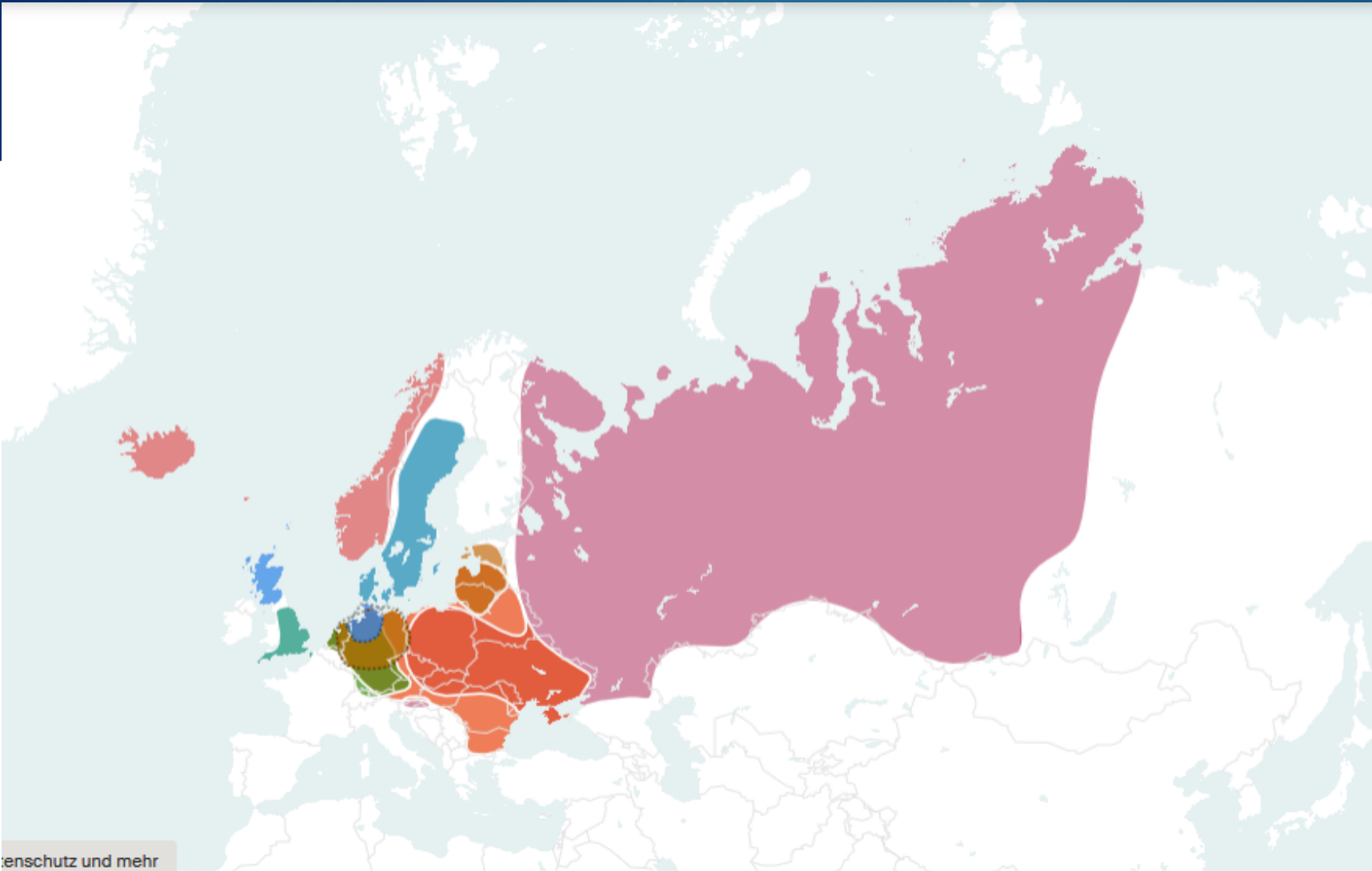
Entfernt verwandte Matches (12.123)
6-20 Centimorgans gemeinsam

Selbst definierter Centimorgan-Bereich

-
Niedrigster Wert: 6 cM Höchster Wert: 3.490 cM

Zurücksetzen

Herkunftsschätzung ancestry



Wir vergleichen Ihre DNA mit unserer Referenzgruppe, die DNA-Analysen aus aller Welt enthält. So stellen wir fest, mit welchen Gruppen Ihre DNA am meisten übereinstimmt.

[Wie berechnen wir das?](#)

● Deutschsprachige Regionen Europas	56%	>
Ihre Bevölkerungsgruppen mit einer Verbindung zu dieser Herkunftsregion ⓘ		
● Mittel- und Norddeutschland		>
● Die nordwestdeutsche Küste		>
● Schweden und Dänemark	14%	>
● Jüdisch	12%	>
● Osteuropa und Russland	9%	>
● Baltische Staaten	4%	>
● England und Nordwesteuropa	2%	>
● Schottland	2%	>
● Norwegen	1%	>



Ann Koegel

 **Nachricht**

Mitglied seit
25. Nov. 2017

Letzte Anmeldung
Vor 3-11 Monaten

Verwandtschaftsbeziehung laut DNA zu An Si (Sie)

Verwandte 2.-4. Grades
Gemeinsame DNA: 207 cM in 7 Segmenten

Familiengeschichte

 **PRIVATER DURCHSUCHBARER STAMMBAUM**
Madigan Family Tree

Personen:	7
Aufzeichnungen:	1
Medien:	2

DNA-Zusammenfassung

Abstammungsmix

<p>Anteil 10 %</p> <p>Deutschsprachige Regionen Europas</p>	<p>Anteil 7 %</p> <p>Osteuropa und Russland</p>	<p>Anteil</p> <p>So</p>
--	--	--------------------------------

Ferdinand Skirde 1847-1926
⊙ Marianna Wyppych 1851-1923

Andreas 1884-1945

Gertrud 1912-2001

Ann * 1938

Anna 1874-1909

Otto 1907-1943

Helga 1938-2020

Andre 1969

3%
DNA

Verwandschaft
von Ann und
André



Brooklynn Holtz

Westerville, Delaware, Ohio, USA Alter: 30-39

[Nachricht](#) ...

I have long enjoyed close relationships with my mother's side of the family (Hammond and beyond) and would like to extend that to the rest of my family. After having my son in 2018, I became curious about our heritage and shortly after got sucked into the world of ancestry!

Spricht: Englisch



Mitglied seit
22. Mai 2016

Letzte Anmeldung
Vor 3-11 Monaten

Erfahrungen in Familiengeschichte
Mit Grunderfahrungen
Forschungen fast täglich

Forschungsinteressen
Hughes
Southern, Ohio, and, Northern, Kentucky, USA

Pausen
New York, USA

Stillman
New York, USA

[Alle \(4\) erweitern](#)

Bietet Hilfe an

Brooklynn Holtz ist bereit, andere Ancestry-Mitglieder bei ihren Forschungen zu unterstützen:

Fotos machen

Fotos von Grabsteinen auf Friedhöfen in der Nähe des anderen Mitglieds oder von Gebäuden und Wahrzeichen machen

Aufzeichnungen suchen und senden

Dokumente in Bibliotheken in der Nähe des

Verwandtschaftsbeziehung laut DNA zu An Si

AS

Verwandte 5.-9. Grades

Gemeinsame DNA: 8 cM in 1 Segmenten

Familiengeschichte

Stammbäume

Brokaw - Hammond
6.789 Personen;
4.311 Aufzeichnungen; 2.394 Medien

Holtz - Montgomery
329 Personen; 137 Aufzeichnungen;
159 Medien

Fojtik-Ray Family Tree
142 Personen; 118 Aufzeichnungen;
29 Medien

Swain
1.554 Personen;
1.573 Aufzeichnungen; 53 Medien

Fotogalerie



[Alle anzeigen](#)

Der Inhalt dieser Seite sollte unseren [Community-Richtlinien](#) entsprechen. Bitte [melden Sie Missbrauch](#), der nicht unseren Richtlinien entspricht.

Brooklyn HOLTZ++
1985-Lebt

+ Verwandten hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

Harlow L. BROKAW+
1955-Lebt

Francis K. PAULSEN+
1933-2008

Bruce Lester BROKAW-
Lebt

Meta REIMERS
1898-1962

Hans Hinrich PAULSEN
1890-1971

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

Dorothea J S KOCK

Hinrich REIMERS

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

Metta VOB
1791-1834

Elsabe PIEPER
1814-1899

Claus PIEPER
1792-1834

Wiebke SCHRÖDER
1775-

Peter REIMERS
1808-1879

Bendix F REIMERS

Margaretha RATHJEN

Hinrich VOB

Elsabe REHDER
1788-1832

Detlef PIEPER
1758-1798

Antje B MEHRENS?
-1805

Peter SCHRÖDER
-1805

Abel N.N

Bendix F REIMERS
-1805

+ Mutter hinzufügen

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

+ Vater hinzufügen

Greten FEHRS

Christian REHDER

Trineke HOTJE

Claus PIEPER

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

+ Vater hinzufügen

+ Mutter hinzufügen

+ Vater hinzufügen

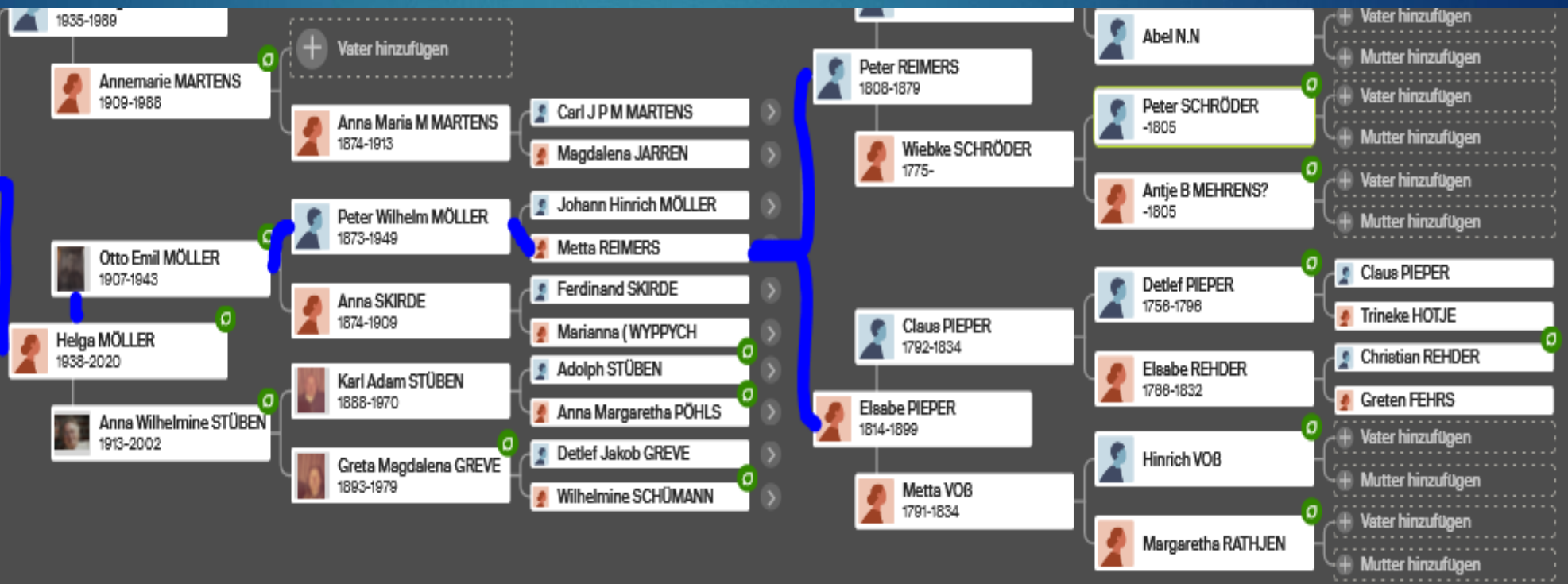
Andre SIEVERS
1989-Lebt

Ehepartner und Kinder ^

- Kerstin L M SKIRDE
- Pascal SKIRDE
- Corvin SKIRDE

Geschwister v

+ Verwandten hinzufügen



Entfernte Familie



Anita Evans

Cousine 4. Grades oder
Halbnichte 4. Grades
32 oM | < 1% gemeinsame
DNA
Ohne Zuordnung

Öffentlicher verknüpfter Stammbaum
96 Personen

Kennen Sie diese Person?

Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht



oberdak

Cousin 4. Grades oder
Halbnichte 4. Grades
25 oM | < 1% gemeinsame
DNA
Ohne Zuordnung

Öffentlicher verknüpfter Stammbaum
47 Personen

Kennen Sie diese Person?

Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht



Salina Rae
Durham

Halbnichte 4. Grades oder
Großnichte 4. Grades
23 oM | < 1% gemeinsame
DNA
Ohne Zuordnung

Keine Verknüpfung zum Stammbaum

Kennen Sie diese Person?

Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht?



David Patrick
Lambert

Halbnkel 4. Grades oder
Cousin 4. Grades
21 oM | < 1% gemeinsame
DNA
Ohne Zuordnung

Öffentlicher verknüpfter Stammbaum
1.295 Personen

Kennen Sie diese Person?

Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht



Travis Hamilton

Halbnichte 4. Grades oder
Großnichte 4. Grades
21 oM | < 1% gemeinsame DNA
Ohne Zuordnung

Keine Stammbäume

Kennen Sie diese Person?

Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht?



Amber Bush

Halbnichte 4. Grades oder
Großnichte 4. Grades
21 oM | < 1% gemeinsame
DNA
Ohne Zuordnung

Öffentlicher verknüpfter Stammbaum
12 Personen

Kennen Sie diese Person?











Ja

Mehr erfahren

Vorfahrenpaar Stegemann/Lambrecht

Beispiel



Kit Number	Status	Kit Name	Kit Privacy
H961055	✓	K.S.	
[REDACTED]	✓	C.S.	
[REDACTED]	✓	C.S.	
[REDACTED]	✓	C.S.	
[REDACTED]	✓	H.M.	
[REDACTED]	✓	V.S.	
[REDACTED]	✓	K.S.	
[REDACTED]	✓	L.G.	
[REDACTED]	✓	Ma.S.	
[REDACTED]	✓	A.S.	

Datenschutz

Für Fortgeschrittene:

Der Chromosomenbrowser, zeigt an, auf welcher Position des Chromosoms die Übereinstimmung liegt.



Wer es genau wissen möchte!

Comparing Kit H270060 (*H.M.) [Migration - F2 - H] and Kit AQ1428629 (Roslyn Armbrust) [Ancestry]

Segment threshold size will be adjusted dynamically between 200 and 400 SNPs

Minimum segment cM to be included in total = 3.0 cM

Mismatch-bunching Limit will be adjusted dynamically to 60 percent of the segment threshold size for any given segment.

Chr	B37 Start Pos'n	B37 End Pos'n	Centimorgans (cM)	SNPs
4	122.451.829	131.104.359	5,5	895
5	4.280.113	5.147.376	3,1	201
9	74.392.687	77.999.354	3,1	424
15	27.860.447	30.354.303	6,2	355
16	13.880.290	16.908.786	3,1	335

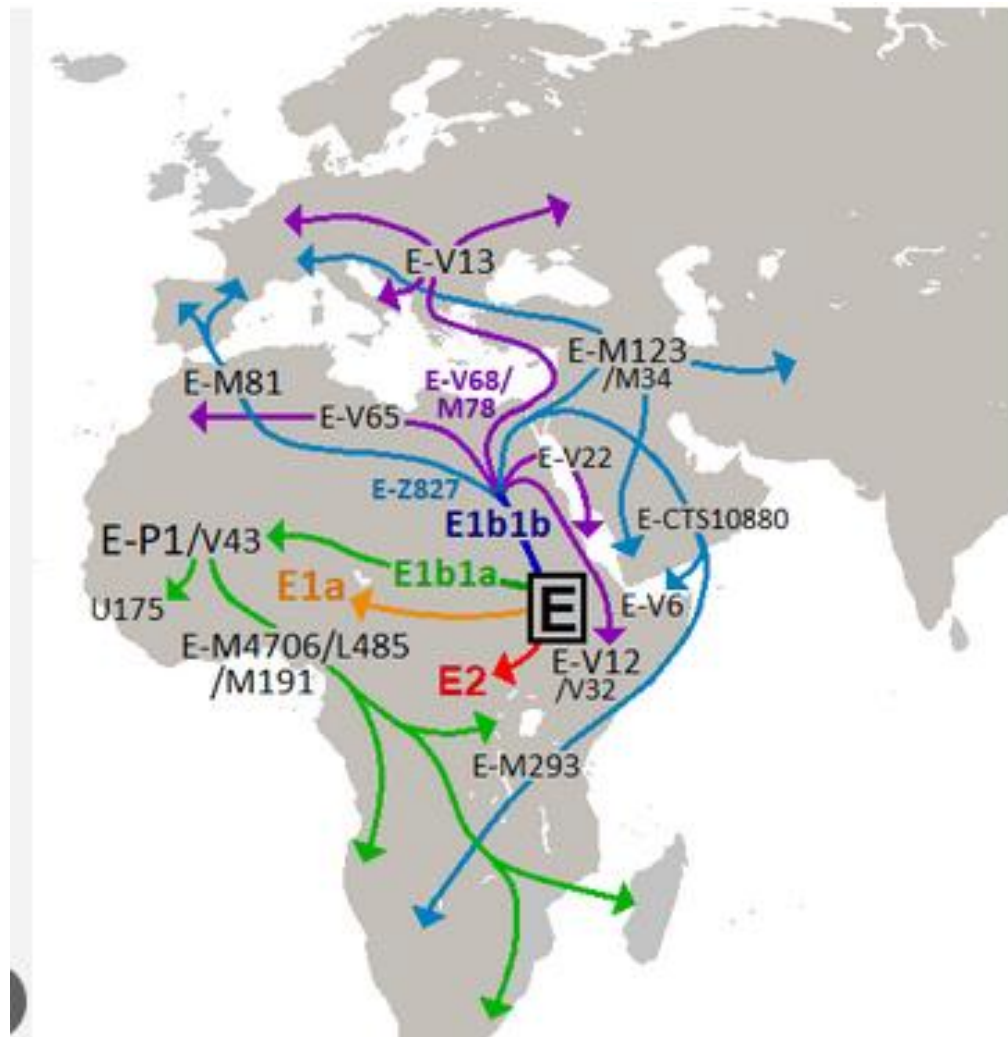
Largest segment = 6.2 cM

Total Half-Match segments (HIR) 21cM (0.585 Pct)

5 shared segments found for this comparison.

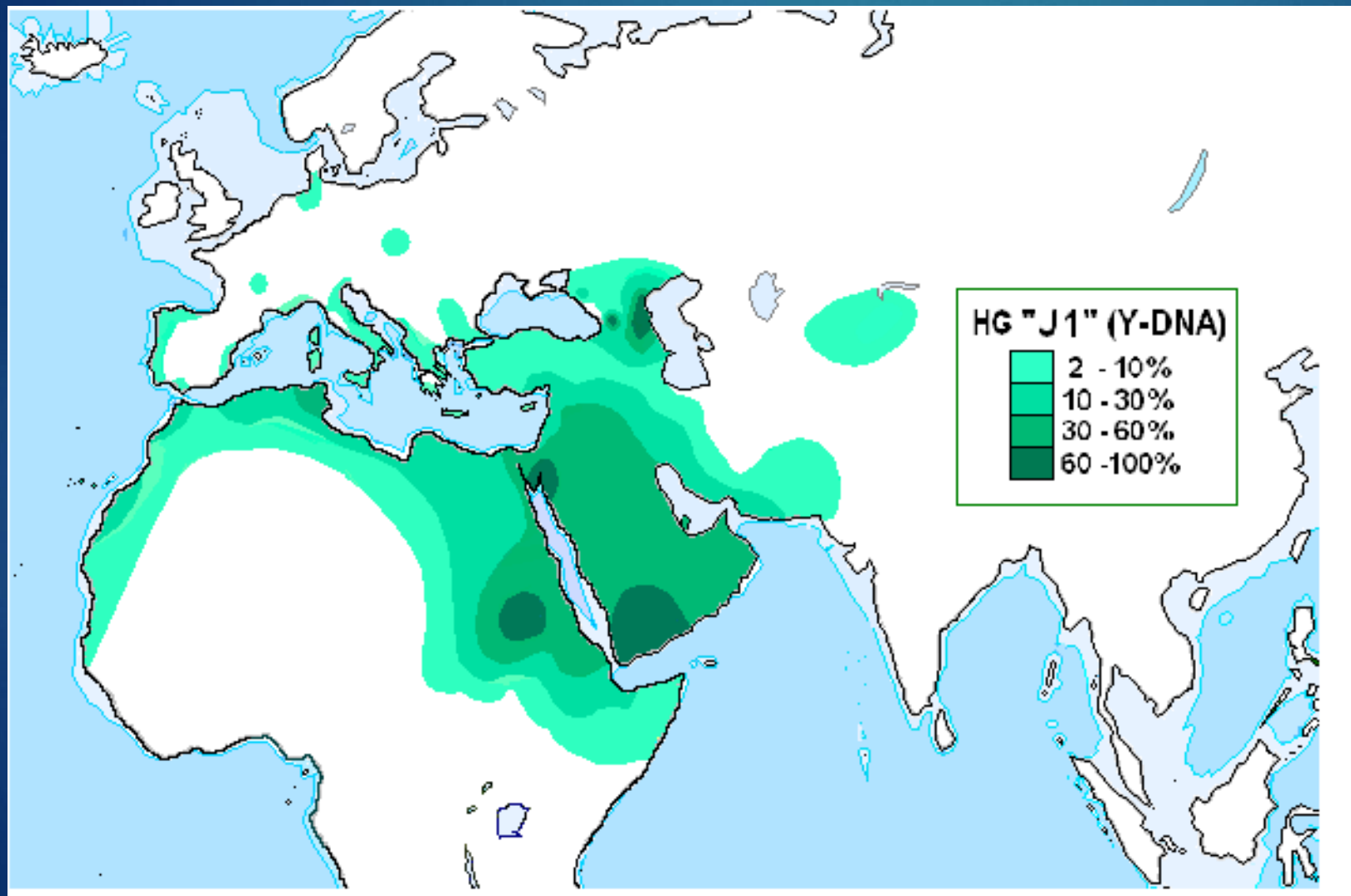
394291 SNPs used for this comparison.

52.419 Pct SNPs are full identical



Haplogruppe
E1

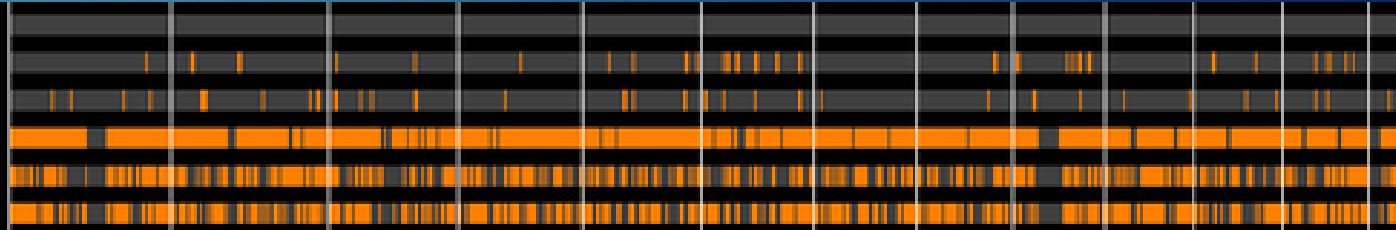
HG: J1



ancient DNA „alte DNA“



F999713 Mezmaiskaya, Adygia, Russia, 29ky, Neandertal
F999714 Vindija 33.16, Croatia, 38ky, Neandertal
F999715 Vindija 33.25, Croatia, ~40ky, Neandertal
F999800 Rathlin1, Ireland, 2.0ky cal BC
F999801 Rathlin3, Ireland, 1.6ky cal BC
F999802 Rathlin2, Ireland, 1.9ky cal BC



Was kann ein DNA-Test?

- ▶ - einen bestehenden Stammbaum erweitern/ergänzen und/oder bestätigen
- ▶ - durch den Test einen Stammbaum erstellen
(Adoptionen/Findelkinder/Samenspende)
- ▶ - unbekannte Personen finden/"tote Punkte" überwinden
- ▶ - lebende Verwandte finden (Auswanderer?)
- ▶ - aus welchen Regionen stammen meine Vorfahren
(Herkunftsanalysen/Ethnizitätenschätzungen)
- ▶ - welcher Haplogruppe habe ich (Y-DNA)
- ▶ - Gesundheit, Ernährung, Veranlagung, Diagnostik (medizinische Zwecke)
- ▶ - Vergleiche mit "alter DNA" (Skelettfunde/Neandertaler)

Fazit:

Was kann ein DNA-Test nicht?

Die klassische Ahnenforschung
ersetzen.